

## UCSC estudo dirigido

1. Descubra se o gene Brca1 em camundongo tem SNPs não sinônimos, mostre-os em azul e pegue dados externos a respeito de um SNP que altere um códon (exon).
2. Encontre a região genômica para o gene humano NRAS [neuroblastoma RAS viral (v-ras) oncogene homolog] gene. Acrescente 1000 bases de cada lado da posição da janela. Ligue o track *Transcription Factor Binding Site* (TFBS Conserved) e procure sítios de ligação na região promotora.